

Report finale BM vs PB

Report automatico BM vs PB generato dalla pipeline FlowCT Python

Sintesi

Questo report riassume la composizione per metacluster nei due compartimenti (BM e PB) e fornisce una interpretazione preliminare del pattern osservato.

Tabella riassuntiva

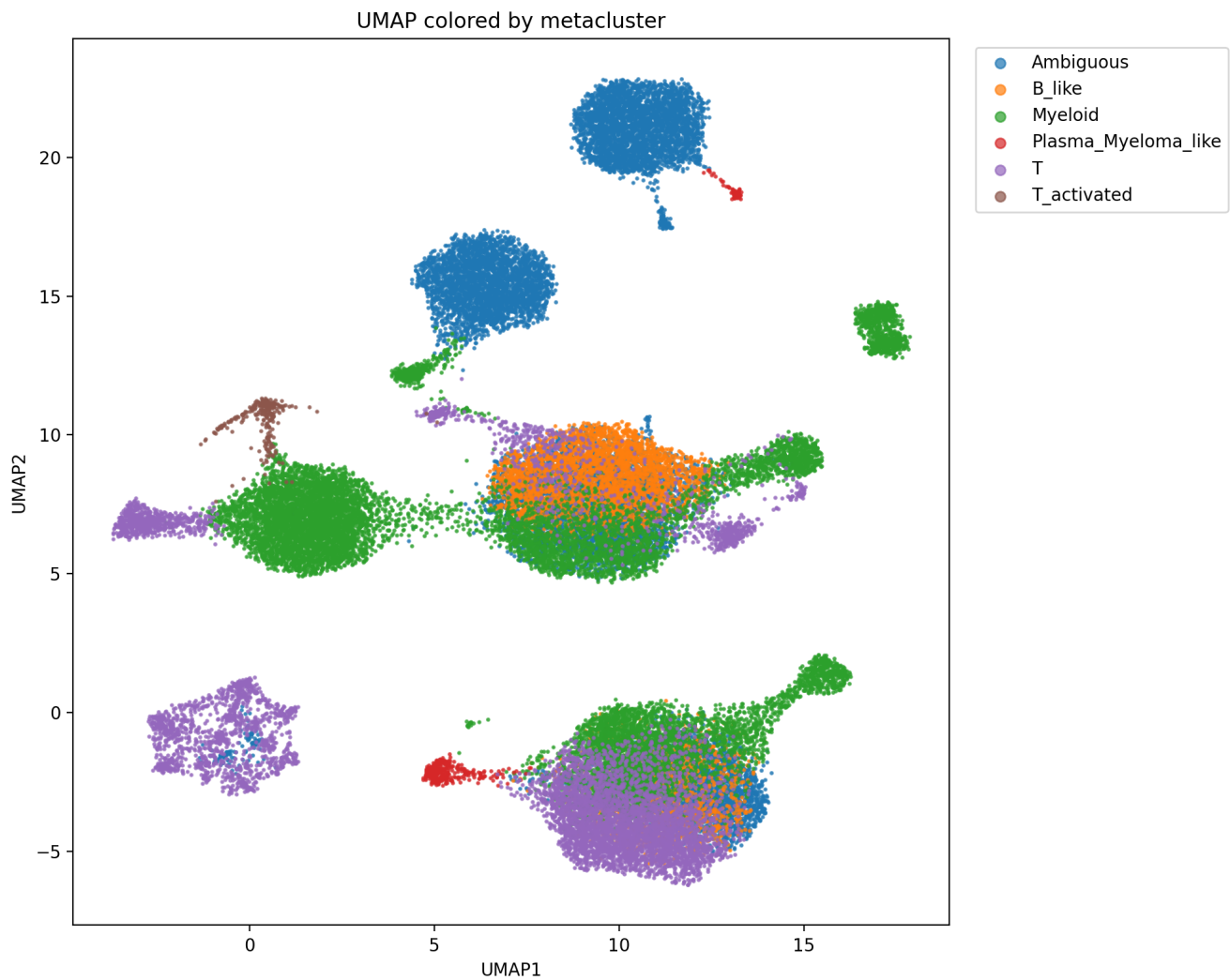
Metacluster	BM %	PB %	Interpretazione
Myeloid	38.77%	24.97%	Arricchito nel BM; coerente con maggiore rappresentazione midollare del compartimento.
T	18.03%	18.56%	Arricchito nel PB; coerente con maggiore quota di linfociti T circolanti.
Plasma/Mieloma-like	0.64%	1.40%	Presenza non dominante; da verificare rispetto al contesto biologico.
B-like	9.80%	14.44%	Moderatamente arricchito nel PB rispetto al BM.
T activated	1.26%	0.00%	Non chiaramente arricchito nel PB; da verificare.
Ambiguous	31.50%	40.63%	Presente in entrambi i compartimenti; quota ancora da affinare con annotazione/pattern.

Osservazioni principali

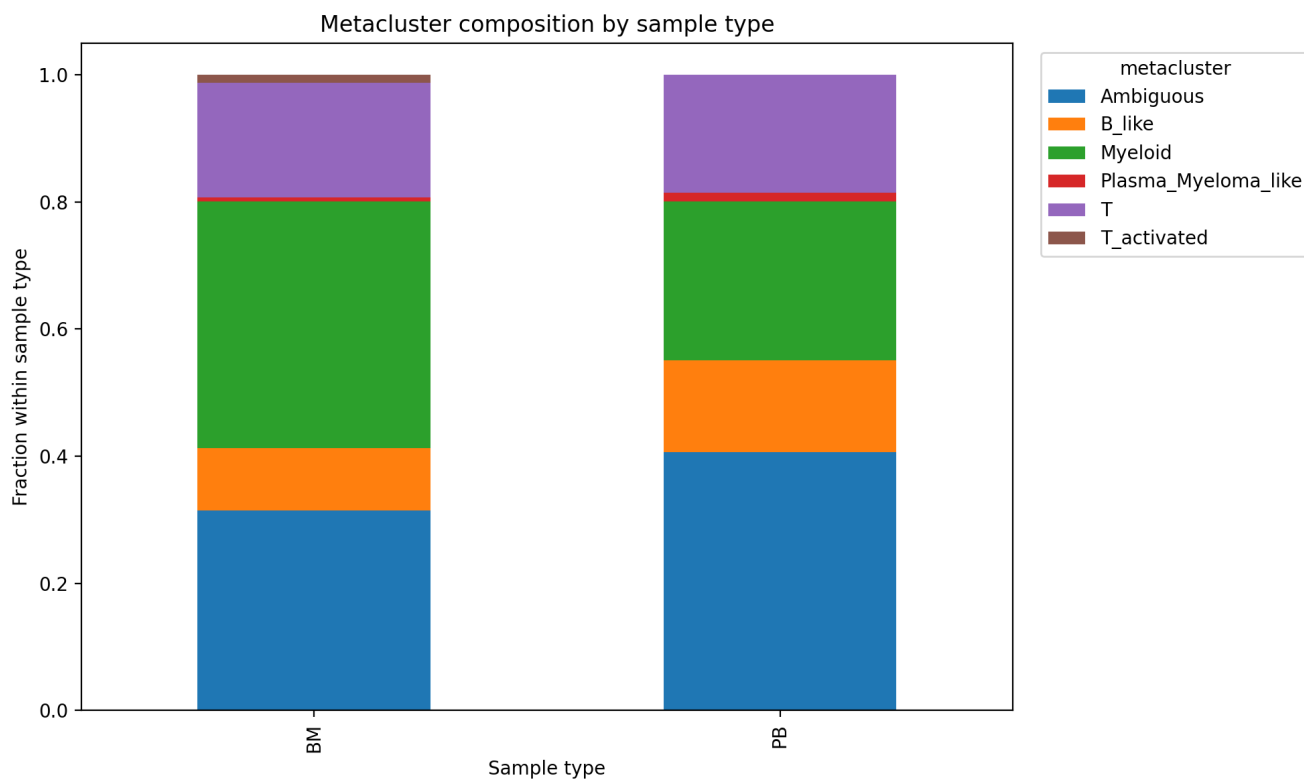
- Il compartimento mieloide è arricchito nel BM (38.8%) mentre il compartimento T prevale nel PB (18.6%).
- Il compartimento Plasma/Mieloma-like è nettamente più rappresentato nel BM (0.6%) rispetto al PB (1.4%).
- I compartimenti B-like e T activated risultano più rappresentati nel PB (14.4% e 0.0%).
- La quota Ambiguous resta presente in entrambi i compartimenti (BM 31.5%, PB 40.6%), suggerendo margine di affinamento dell'annotazione.

Figure

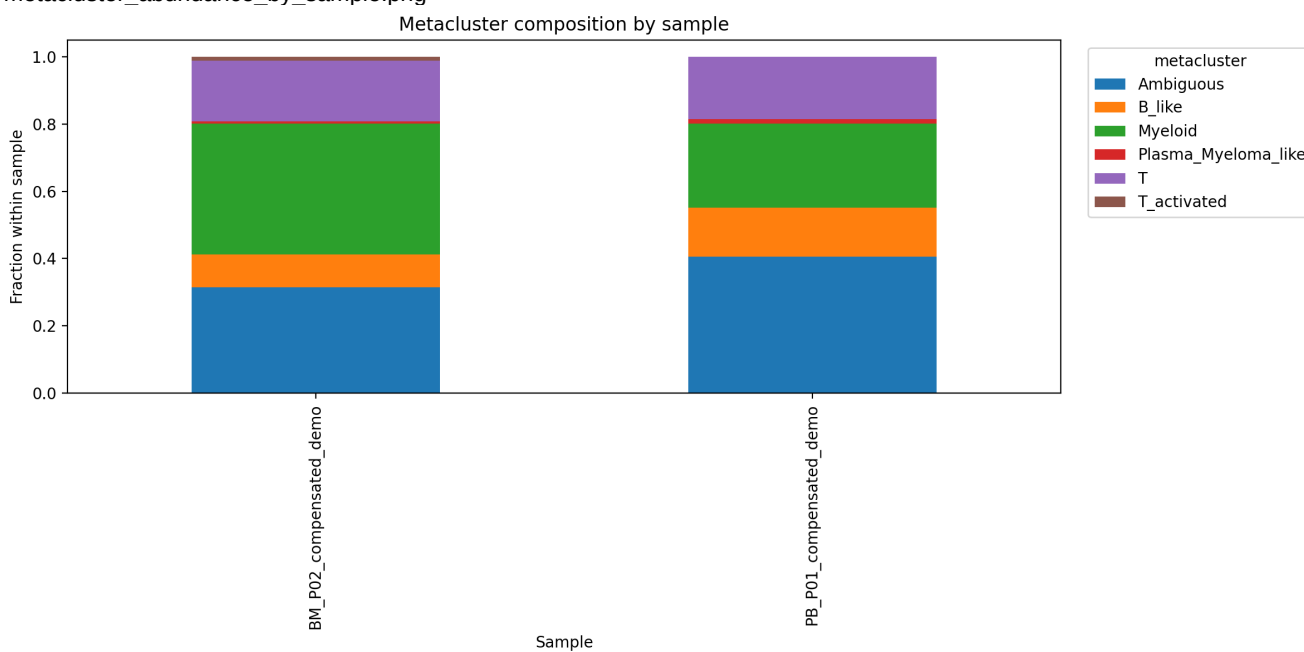
umap_metacluster.png



metacluster_abundance_by_sample_type.png



metacluster_abundance_by_sample.png



Nota: le interpretazioni sono descrittive e preliminari; non rappresentano una conclusione clinica definitiva.