

Report finale BM vs PB

Report automatico BM vs PB generato dalla pipeline FlowCT Python

Sintesi

Questo report riassume la composizione per metacluster nei due compartimenti (BM e PB) e fornisce una interpretazione preliminare del pattern osservato.

Tabella riassuntiva

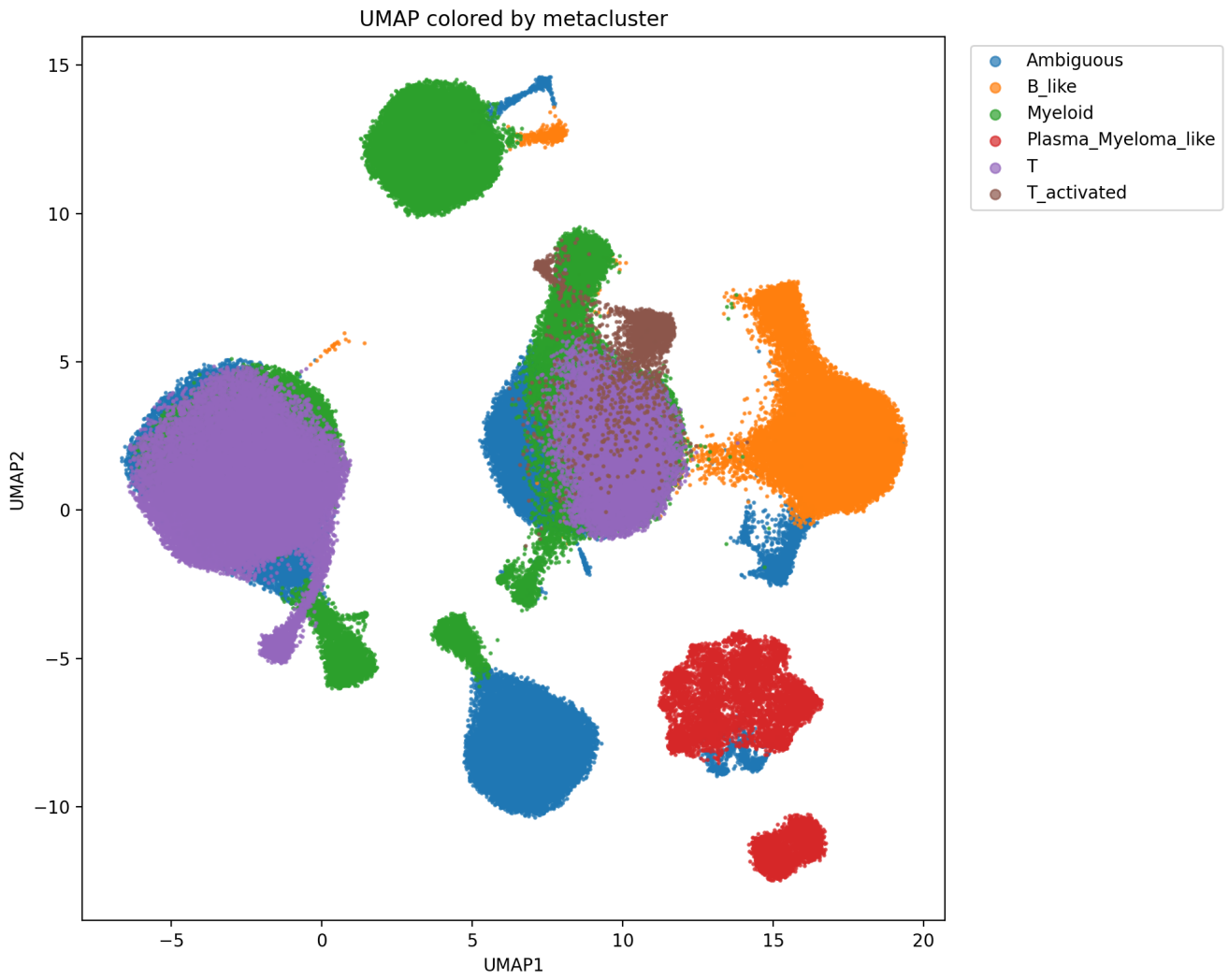
Metacluster	BM %	PB %	Interpretazione
Myeloid	26.26%	38.30%	Non arricchito nel BM; da verificare.
T	14.09%	27.91%	Arricchito nel PB; coerente con maggiore quota di linfociti T circolanti.
Plasma/Mieloma-like	7.07%	3.34%	Netto arricchimento nel BM; compatibile con compartimento plasmacellulare/mieloma.
B-like	25.49%	0.27%	Moderatamente arricchito nel BM rispetto al PB.
T activated	2.53%	0.04%	Non chiaramente arricchito nel PB; da verificare.
Ambiguous	24.56%	30.14%	Presente in entrambi i compartimenti; quota ancora da affinare con annotazione/patologia.

Osservazioni principali

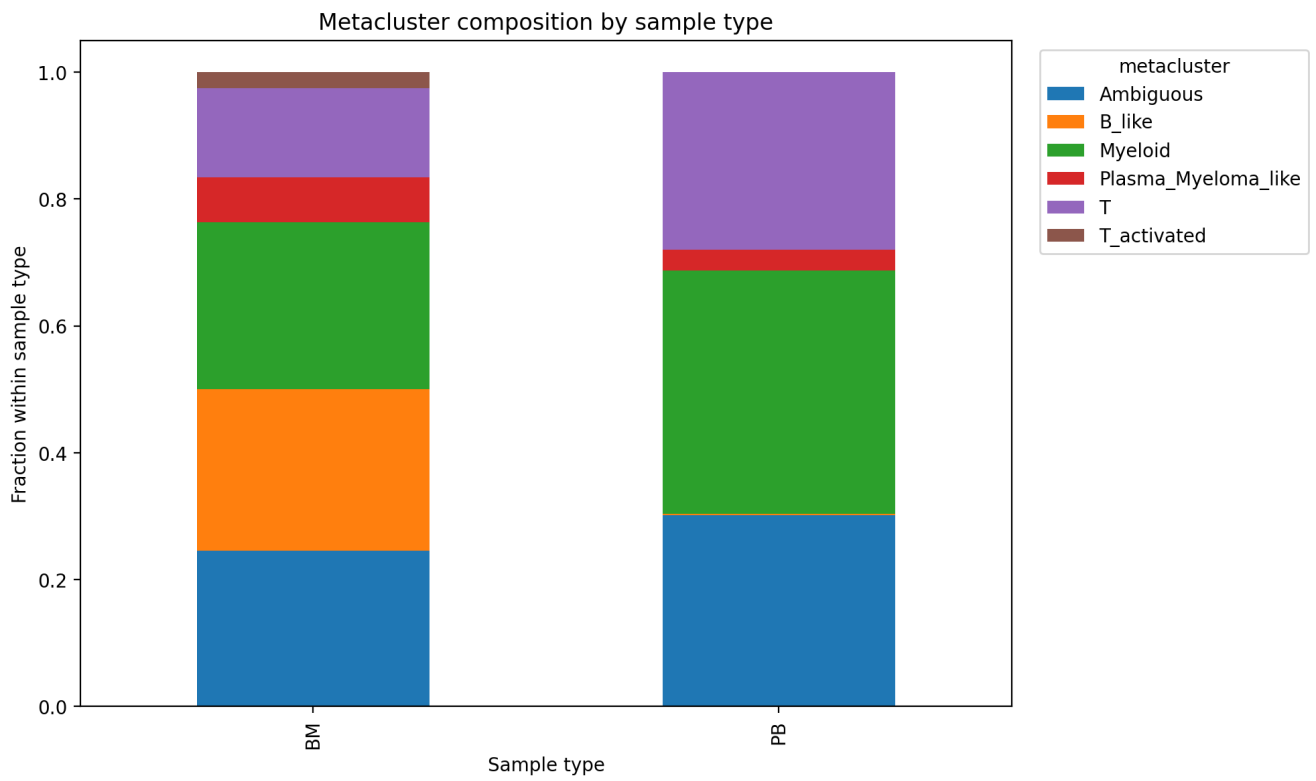
- Il compartimento mieloide è arricchito nel BM (26.3%) mentre il compartimento T prevale nel PB (27.9%).
- Il compartimento Plasma/Mieloma-like è nettamente più rappresentato nel BM (7.1%) rispetto al PB (3.3%).
- I compartimenti B-like e T activated risultano più rappresentati nel PB (0.3% e 0.0%).
- La quota Ambiguous resta presente in entrambi i compartimenti (BM 24.6%, PB 30.1%), suggerendo margine di affinamento dell'annotazione.

Figure

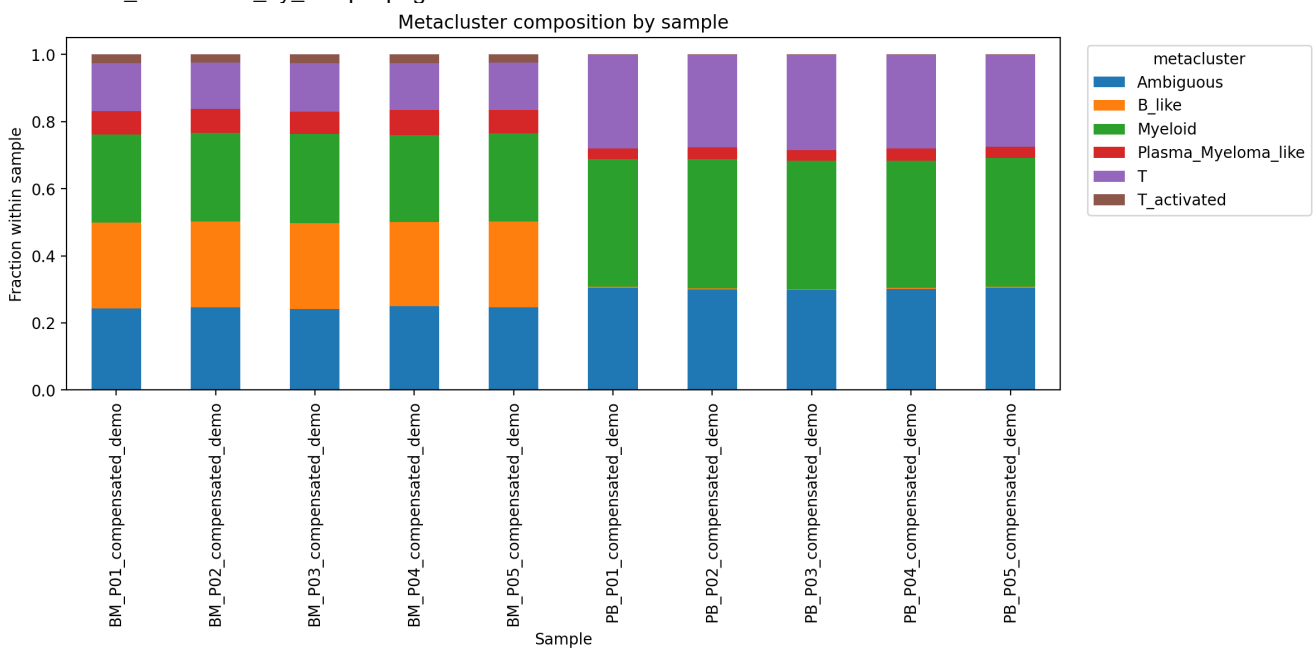
umap_metacluster.png



metacluster_abundance_by_sample_type.png



metacluster_abundance_by_sample.png



Nota: le interpretazioni sono descrittive e preliminari; non rappresentano una conclusione clinica definitiva.